- [16] 张 元. 实用内科杂志, 1989,9(7):341
- [17] 陈次和等、中华内科杂志, 1987,26(2):103
- [18] 黄建平. 临床医学杂志, 1989,5(2):106
- [19] 杨国民. 新药与临床, 1991,10(4):234
- [20] 王文兴. 实用内科杂志, 1992,12(2):88
- [24] 佟成文等。中华心血管病杂志, 1991, 19(2):113
- [22] 李裕文、新医学, 1985,16(1):668
- [23] 郭景东等, 新医学, 1989,20(12):6
- [24] 杨淑坤、中西医结合杂志, 1988,8(2):111
- [25] 张孟雄, 贵州医药 1988, 12(3):186

新生儿使用庆大霉素的给药方案

解放军 23 医院(乌鲁本齐 830006) 耿东升

鉴于庆大霉素(GM)适宜的抗菌谱和对第八对颅神经的毒害小于链霉素的优点,临床上较常用于小儿呼吸及消化道等感染性疾病的治疗。但庆大霉素的肾毒性严重影响其使用,特别对肾功发育尚未成熟的新生儿更是如此。那么,临床上如何正确使用GM剂量,调整血药浓度在最适范围(峰浓度5—12μg/ml,谷浓度<2μg/ml)^[1],既保证疗效,降低毒性,本文就此情况作一简介。

一、GM 标准剂量与药动学因素

GM 标准剂量是指 2.5 mg/kg q 8-12 h。近来多篇报道:强调使用GM标准方案可 使 91% 的孕期 <35 周的 新 生 儿产 生 >2 ug/ml 的稳态谷血清浓度。Bloome 等认为 这是新生儿体内药代动力学(药动学)的差异 所致。他们的研究表明: GM体内排泄速率 常数和患儿的年龄、体重明显相关;药一时曲 线下面积和药物半衰期 在 体 重 <1500 g 和 >1500g 的未足月新生儿间明显不同,反映 出前者肾功的成熟性较低[2]。Keller[3]从183 名肥胖、正常和患病新生儿的 GM 体内 分布 容积(V)和体重(W)的关系研究中发现: 这 种关系是非线性的,用幂函数 V=0.57 W0.70 表达更能反映 GM 血浓度对体重 的 依 赖 关 系。Faura 等[4]亦证实新生儿的体重、年龄、 孕期和血期肌酐是 GM 血浓度改变 的 主 要 因素。

二、GM 负荷剂量

Watterberg 等^[5]用比较法,首先给 100 名新生儿静注 2.5mg/kg 的 GM,有 45%的患儿 GM 血峰浓度 ≤5μg/ml,当给一次负荷剂量 4mg/kg 时,92% 的患儿 GM 血峰浓度 ≥5μg/ml。他们将这一负荷剂量 作为 GM 治疗时的首次剂量用于临床,又比较了50名接受和40名未接受一次负荷剂量的新生儿的稳态血药浓度,在≥3个剂量后,峰、谷浓度没有明显不同,证明 GM 一次负荷剂量 不影响其稳态血浓度,认为 GM 毒性与其 在体内蓄积有关,早期获得治疗的峰血浓度可望疗效增强。 Gal 等^[1]用类似方法研究发现采用 5 mg/kg 的负荷剂量,可使 94% 新生儿的 GM 峰浓度在最适范围。

三、GM 分组给药

Faura 等[3] 将新生儿按孕期小于或大于37周和年龄小于或大于7d分成4组,均按标准剂量方案治疗,结果发现各组的 GM 血浓度和药动学参数有很大差异,认为新生儿应分组给药以提高疗效,降低潜在毒性。Nakae等[6]的研究是 <1500g 组(20 名)2.0 mg/kg iv q 24 h; \geq 1500g 组(21名) 2.0 mg/kg iv q 12 h,结果治疗第4天达到了较满意的峰(4.8 μ g/ml,87.8%)、谷(\leq 3 μ g/ml,97.5%)浓度。Bloome等[2]进一步提出了按孕后龄(postconceptional age PCA)的新给药方案:PCA \geq 34 周 2.5 mg,iv,q 16h; PCA 28 \leq 34 周 2.5 mg/kg,iv,q 16h; PCA

-28周2.5mg/kg iv q 24 h, 此方案与标准方案相比,使新生儿谷浓度 > 2μg/ml 的人数从 68.4%降低到 33—40%。

四、GM 个体化给药

以一定的群体药动学为基础, 通过个体 **川药后1-2个** 血样估算其药动学来制定个体 化给药方案,既符合实情,又便于临床应用, 是目前药物治疗的趋势。常用的方法有参数 法。它的特点是群体分布(个体占动学变异 的概率分布)已知,通过采集一定数量的个体 数据(如血药浓度)求算群体药动学参数,根 据参数确定给药剂量。目前广泛应用的是 Beal 和 S. Liner 的一级近似非线性杂效应模 型(nonlinear mixed-effects model NO-NMEM)。Thomson[7]对 113 名用 GM 的新 生儿实施常规药物监测,数据用 NONMEM 程序分析,得清除率正常值为 0.053L/h·kg, 当孕期 ≤34 wk 其值降低 (×0.83); 5 min Apgar 评分 <7 者(×0.82)。这种参数变异 的确定为合理给药方案提供了依据。Mallet 等[8] 描述的非参数法的特点是: 群体分布未 知,须由群体数据来评估,由此计算出群体参 效──均值及协方差。Schumitzky 近 来 提 出非参数期望最大法(nonparametric expected maximum algorithm, NPEM法) 是非参数法的另一代表形式。Dod se 等[8]同 时用 NPEM 法和标准二步法,对二组孕期 ≤31 周(71人)和32-34周(58人) 体重轻 的 新生儿使用GM后的药动学进行了分析。结 果参数值无明显差异,认为 NPEM 法不仅在 鉴别药动学参数方面等同于二步法, 而且能 更有效的利用临床数据,数学最优。Lui等[9] 用Bayesian 预测(用基于最大或然理论的权

重函数校正个体间的药动学变异, 通过最大 概率(Bayesian)药动学预测给定的药物剂量 的稳态浓度)对 ≤1000g 的体重轻的新生儿 个体化的GM 剂量进行了评价。实验组26名, 对照组 23 名。对照组采取"标准"治疗方案: <7d 3.5mg/kg,q 24h,>7d 2.5mg/kg, q 8-12h;实验组用Bayesian预测给药方案。 结果,二组GM给药剂量类似;由 Bayesian 预 计的给药间期是 <7 d者18-36 h,>7 d者12 一24h;二组稳态时的峰浓度无明显差异,均 在治疗范围,但谷浓度 Bayesian 预测的给药 方案和标准方案相比,前者较稳定(1-2.4 mg/L),减少了GM中毒倾向,作者认为:尤 其在刚出生的几天,新生儿体液成份和肾血 流量变化明显的情况下,用Bayesian预测 GM 给药方案更好。

参考文献

- [1] Gal P et al. Am J perinatol, 1990, 7(3):254
- [2] Bloome MR et al. Drug Intell clin pharm, 1988, 22(7-8):618
- [3] Keller F. Br J Clin Pharmacol, 1989,28(4): 479
- [4] Faura CC et al. Ther Drug Monit, 1991, 13(3):268
- [5] Watterbery KL et al. Ther Drug Monit, 1989,11(1):16
- [6] Nakae S et al. Tohoku J Exp Med,1988, 155(3):213
- [7] Thomson. AH et al. Dev Pharmacol Ther. 1988,11(3):173
- [8] Dodge WF et al. Clin pharmacol Ther 1991,50(7):25
- [9] Lui K et al. Am J Dis child.1991.145(4): 463

《药学情报通讯》征订仍在继续,需订阅者可向本刊编辑部索取订单。